**CARACTERIZAÇÃO GENÉTICA DA ESPÉCIE *Mugil curema* (VALENCIENNES 1836) NA RESEX DE CANAVIEIRAS – BAHIA, UTILIZANDO MARCADORES ISSR.**

**Joemille Silva dos Santos¹\*; Leydiane da Paixão Serra¹; Vitória Lacerda Fonseca¹; Claudivane de Sá Teles Oliveira²; Soraia Barreto Aguiar Fonteles³; Marcelo Carneiro de Freitas³;.**

¹[joemillesantos@hotmail.com](mailto:joemillesantos@hotmail.com), [leydiandeserra@hotmail.com](mailto:leydiandeserra@hotmail.com). [vickylacerda@hotmail.com](mailto:vickylacerda@hotmail.com) Discentes do curso de Engenharia de Pesca/ UFRB. ²[teles.nane@gmail.com](mailto:teles.nane@gmail.com).Mestranda em ciência Animal/ UFRB. ³[soraiafonteles@gmail.com](mailto:soraiafonteles@gmail.com). [marcfreitas@gmail.com](mailto:marcfreitas@gmail.com) Docentes da Engenharia de Pesca / UFRB.

**Resumo**

*Mugil curema* (Valenciennes, 1836), é popularmente denominada de tainha no Norte, Nordeste, Sudeste e Sul do Brasil. As espécies que compõe essa família possuem características biológicas que são consideradas com grande potencialidade para a aquicultura. A Reserva Extrativista de Canavieiras (RESEX) localiza-se no sul da Bahia, nos municípios de Canavieiras, Belmonte e Una, sendo que dos 100 mil hectares da área, 83% correspondem à parte oceânica, 12% são restingas e manguezais, o restante constitui áreas de terra firme. É uma unidade de conservação Federal gerida pelo Instituto Chico Mendes de Conservação da Biodiversidade - ICMBio. A principal atividade das comunidades da RESEX de Canavieiras é a pesca artesanal (estuário ou marinha), vários são os tipos de pescados e mariscos extraídos e comercializados pelas comunidades locais do município, especialmente os peixes de água doce e estuarinos. Com o intuito de verificar a distribuição da variabilidade genética, o presente trabalho teve como objetivo caracterizar geneticamente duas populações de *M. curema* da RESEX de Canavieiras. Foram amostradas duas populações e utilizados 30 indivíduos de cada população, submetidos a sete primers; (AG)8T, (GA)8T, (AG)8YC, (GA)8YT, (GA)8YG, (GGA)4, (AAGC)4. Os resultados obtidos a partir da análise dos padrões de bandas, fornecidos pelos marcadores moleculares ISSR, foram transformados em matriz numérica binária com presença (1) e ausência de banda (0) e o agrupamento de similaridade pelo método das médias não ponderadas das distâncias gênicas (UPGMA-UnweightedPairGroupMethodAverages) e obtido os agrupamentos hierárquicos das análises. Avaliou-se também o grau de similaridade entre os indivíduos das populações com base no coeficiente de Jaccard com auxílio do programa Darwin 6.0. Pelas comparações, averiguou-se as relações de parentesco entre os indivíduos de *M. curema*, os indivíduos 30 e 6 (0,9286) apresentaram os genótipos mais distantes e os indivíduos 27 e 28 (0,1304) mostraram genótipos mais próximos. Com esses resultados moleculares, pode-se evidenciar que os organismos estudados apresentam alta variabilidade genética tornando claro que a RESEX de canavieiras merece uma devida atenção na fiscalização para não perder a estrutura populacional existente.

**Palavras-chave:** Tainha, diversidade genética de populações, pesca artesanal.

**Apoio**: RARE;